



SLURM

Simple Linux Utility for Resource Management

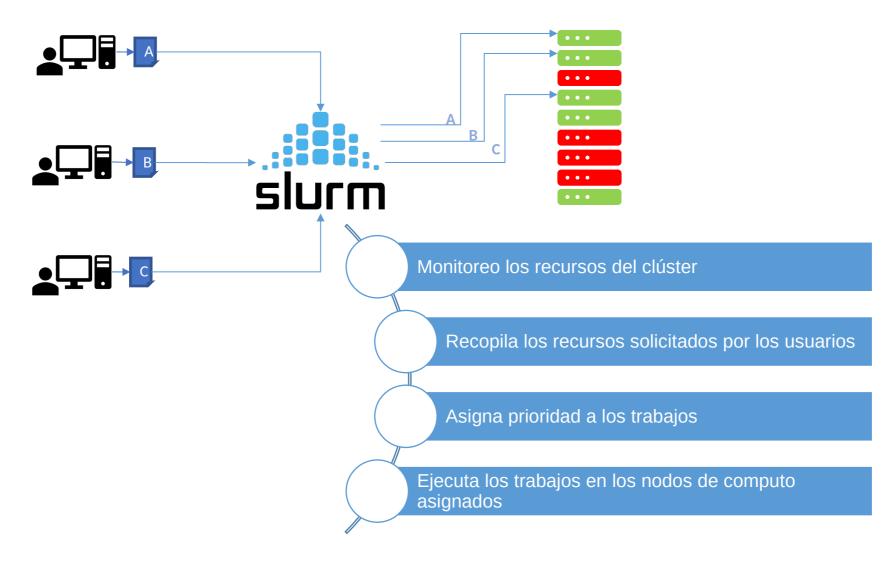
Use on GUANE-1



¿QUÉ ES SLURM?



SLURM es un software de código abierto para la administración de trabajos y gestión de clústeres Linux.

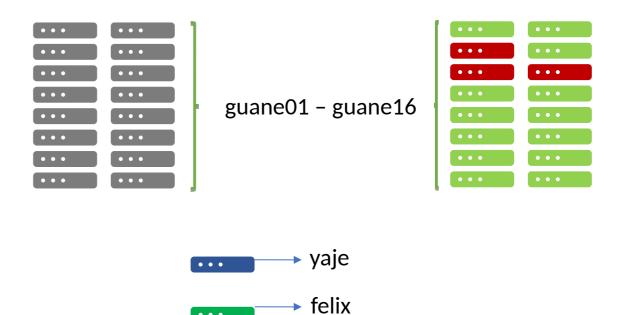


PARTICIONES



Los nodos de computación se agrupan en conjuntos lógicos llamados particiones que dependen de sus características hardware o función:

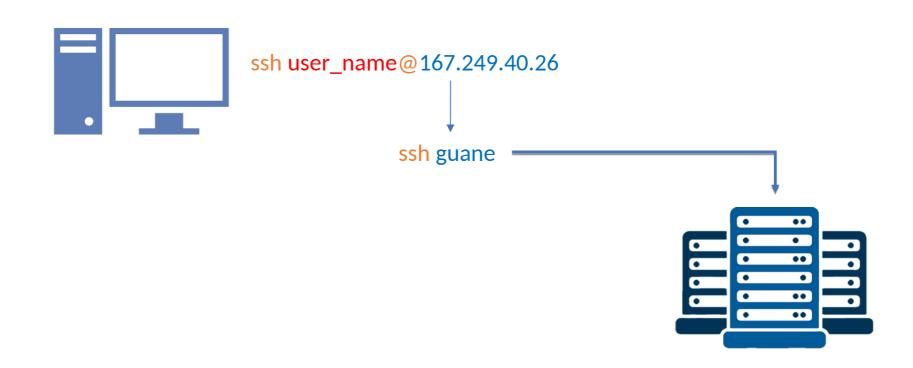
	PARTITION					
•••	normal*					
•••	guane_16_cores					
•••	guane_24_cores					
•••	Viz					
•••	deepL					



CONEXIÓN A GUANE



SSH username@ip-address or hostname





sinfo

- Muestra la información de los nodos y de las particiones.
- Un asterisco (*) después del nombre de la partición indica que es la partición por defecto.
- Un asterisco (*) después del estado del nodo indica que no esta respondiendo.

[user name@guane ~]# sinfo

```
PARTITION
                     TIMELIMIT NODES STATE NODELIST
                      infinite
                                          mix guane[03,05,09,16]
normal*
normal*
                      infinite
                                       alloc guane[01-02,04,10,12-15]
                      infinite
                                        idle guane[06,11]
normal*
                                         mix quane[03,05]
guane 16 cores
                      infinite
                      infinite
                                        idle guane06
guane_16_cores
                      infinite
guane_24_cores
                                         mix guane[09,16]
                                       alloc guane[01-02,04,10,12-15]
guane 24 cores
                      infinite
                                        idle guanell
guane 24 cores
                      infinite
Viz
                      infinite
                                        idle yaje
                                    1 alloc felix
deepL
                      infinite
```



squeue -u druedap

• Muestra la cola de trabajos del usuario *druedap*

JOBID	PARTITION	NAME	USER	ST	TIME	NODE	NODELIST(REASON)
18276	deepL	mafft_09_mpi	druedap	R	7:46:29	1	felix
18277	normal	gisaid_04	druedap	R	7:39:41	1	guane02
18282	guane_24_cores	gisaid_03	druedap	R	2:33:47	1	guane04

[user_name@guane ~]# squeue

STATUS

R = Running

PD = Pending

CA = Cancelled

JOBID 17772	PARTITION guane 24 cores	NAME boinc	USER latorresn	ST R	TIME 23-08:13:22		NODELIST(REASON) quanel0
18014	guane_24_cores	siml		R	10-22:24:19	1	guane15
18015	normal		geramirezc	R	10-21:48:41	1	guane01
18046	guane_24_cores		ccbernalc	R	9-12:22:39	1	guane13
18252	normal	cubes3.sh	jmpachecoa	R	22:22:32	1	guane03
18275	guane_24_cores	siml	arromerob	R	8:28:06		guane14
18276	deepL	mafft_09_mpi	druedap	R	7:47:35	1	felix
18277	normal	gisaid_04	druedap	R	7:40:46	1	guane02
18279	guane_24_cores	siml	arromerob	R	6:09:15	1	guane12
18281	normal	bash	emvargasd	R	4:40:48	1	guane16
18282	guane_24_cores	gisaid_03	druedap	R	2:34:52	1	guane04
18283	guane_16_cores	cubes1.sh	crcarvajal	R	1:28:47	1	guane05
18284	guane_24_cores	cubes2.sh	crcarvajal	R	1:26:58	1	guane09



srun options

• Permite ejecutar una aplicación de forma directa con las opciones determinadas por el usuario en *options*

[user_name@guane ~]# srun --ntasks=4 --partition=normal --label /bin/hostname

[user_name@guane ~]# srun -n 4 -p normal -l /bin/hostname

2: guane01.uis.edu.co

1: guane01.uis.edu.co

O: guane01.uis.edu.co

3: guane01.uis.edu.co



salloc options

- Obtiene la asignación de un trabajo con acceso a consola
- Los recursos reservados para el trabajos son los especificados en *options*
- Permite realizar una reserva interactiva

RESERVA INTERACTIVA

[user_name@guane ~]# salloc --nodes=1 --partition=normal --exclusive srun --pty /bin/bash

[user_name@guane ~]# srun --nodes=1 --partition=normal --exclusive --pty /bin/bash



MODULOS DE AMBIENTE - SOFTWARE DISPONIBLE EN GUANE

- Los módulos son un empaquetado de variables de entorno dentro de un script.
- Se define un modulo por aplicación y este define un ambiente apropiado para su ejecución.
- Lista de comandos:
 - module avail
 - module load MODULE_NAME
 - module unload
 - module list
 - module purge



MODULOS DE AMBIENTE - SOFTWARE DISPONIBLE EN GUANE

module avail

Muestra todos los módulos disponibles en la plataforma

```
/opt/ohpc/pub/modulefiles -----
   Analytics/Anaconda/python3
                                          Chemistry/gamess/2019R2
                                                                                      containers/docker/19.03.9
   Analytics/Darknet/1.0
                                          Chemistry/gromacs/2018.8 GPU
                                                                                      devtools/cmake/3.14.3
   Analytics/Julia/1.0.5
                                          Chemistry/gromacs/2019.3
                                                                                      devtools/cuda/7.5
  Analytics/Julia/1.2.0
                                         Chemistry/nwchem/6.8
                                                                                      devtools/cuda/8.0
  Analytics/Octave/5.1.0
                                         Chemistry/orca/4.0.1.2
                                                                                      devtools/cuda/9.1
                                          Chemistry/orca/4.2
  Bioinformatics/Bioconda/python3
                                                                                      devtools/cuda/10.1
                                                                                                                 (D)
                                         EasyBuild/3.9.4
  Bioinformatics/Geneious/9.1.8
                                                                                      devtools/qcc/5.3.0
  Bioinformatics/NGSEP/4.0.1
                                          Matlab/R2020a
                                                                                      devtools/qcc/6.2.0
  Bioinformatics/SpreaD3/0.9.6
                                                                                      devtools/gcc/7.4.0
                                          QuantumATK/2018.06-SP1-1/2018.06-SP1-1
  Bioinformatics/TempEst/1.5.3
                                                                                      devtools/gcc/8.3.0
                                          QuantumATK/2019.03-SP1/2019.03-SP1
  Bioinformatics/clustalOmega/1.2.4
                                                                                      devtools/qcc/9.2.0
                                                                                                                 (D)
                                          QuantumExpresso/6.5
                                                                                      devtools/globalarrays/5.6.1
  Bioinformatics/jmodeltest/2.1.10
                                          autotools
  Bioinformatics/megaCC/10.1.8
                                          boinc/7.14.2
                                                                                      devtools/intel/2016.4
                                          clustershell/1.8.2
                                                                                      devtools/intel/2017.8
  CAE/ansys/2020rl
                                                                                      devtools/intel/2019.4
                                          cmake/3.15.4
  CFD/OpenFOAM/2.4.0
  CFD/OpenFOAM/1906
                                         comsol/5.3a
                                                                                      devtools/intel/2020.1
                                                                                                                 (D)
------/opt/ohpc/admin/spack/0.12.1/share/spack/modules/linux-centos7-:
  ncurses-6.1-gcc-8.3.0-fazhf5h openblas-0.3.3-gcc-8.3.0-byhg6e2 pcre-8.42-gcc-8.3.0-4rago5n pkgconf-1.4.2-gcc-8.3
  Where:
  D: Default Module
Use "module spider" to find all possible modules.
Use "module keyword key1 key2 ... " to search for all possible modules matching any of the "keys".
```



MODULOS DE AMBIENTE - SOFTWARE DISPONIBLE EN GUANE

module load module_name

 Carga las variables de ambiente correspondientes al modulo seleccionado (module_name)

[user_name@guane ~]# module load CFD/OpenFOAM/1906

module list

• Lista todos los módulos que hallan sido cargados con el comando **module load**. Debe tener presente que puede cargar uno o más módulos de forma simultanea



MODULOS DE AMBIENTE - SOFTWARE DISPONIBLE EN GUANE

module unload module_name correspondientes al modulo seleccionado (module_name)

[user_name@guane ~]# module unload CFD/OpenFOAM/1906

module purge

• Elimina todas las variables de ambiente de todos los módulos que se encuentren cargados en la sesión actual



CREAR UN BATCH JOB SCRIPT

myjob.slurm

```
#!/bin/bash
# Solicitud de recursos
#SBATCH --partition=quane 16 cores
#SBATCH --nodes=1
#SBATCH --ntask=1
#SBATCH --ntasks-per-node=1
#SBATCH --mem=1G
# Tiempo de ejecución del trabajo
#SBATCH --time=1-12:30:00
# nombre del trabajo y archivos de salida
#SBATCH --job-name=myjob
#SBATCH --output=myjob.out
#SBATCH --error=myjob.err
# Carga del modulo de ambiente
module load CFD/OpenFOAM/1906
blockMesh
```

Preliminares

- Especificar el interprete de comando (Bash)
- Siempre debe ser la primera línea

Directivas de SLURM

- Siempre deben empezar con #SBATCH
 - Son ignoradas por bash pero interprestadas por SI URM
- Pueden realizarse comentarios antes, entre o después de las directivas
- Deben colocarse antes de la carga de los módulos y de la ejecución del trabajo

Comandos del SCRIPT

- Carga de los módulos requeridos para la ejecución del trabajo
- Comandos que se quieren ejecutar en los nodos de computo
 - Ejecutable de la aplicación cargada
 - Pueden escribirse comandos de programación en bash



sbatch batch_file

- Envía el batch_file a SLURM para su ejecución
- Si el envió es exitoso, SLURM retorna el ID del trabajo

[user_name@guane ~]# sbatch myjob.slurm

[user_name@guane ~]# squeue -u druedap

JOBID	PARTITION	NAME	USER	ST	TIME	NODE	NODELIST(REASON)
18276	deepL	mafft_09_mpi	druedap	R	7:46:29	1	felix
18277	normal	gisaid_04	druedap	R	7:39:41	1	guane02
18282	guane_24_cores	gisaid_03	druedap	R	2:33:47	1	guane04



scancel jobid

- Envía una señal al job y/o a sus subprocesos
- Por defecto la señal que se envía es SIGKILL para la terminación del job.
- El trabajo que se cancela es aquel que corresponda con *jobid*
- El *jobid* se obtiene al ejecutar el comando **sinfo**

[user_name@guane ~]# scancel 12345

• Se pueden usar filtros para la cancelación de trabajos

[user_name@guane ~]# scancel --user=druedap